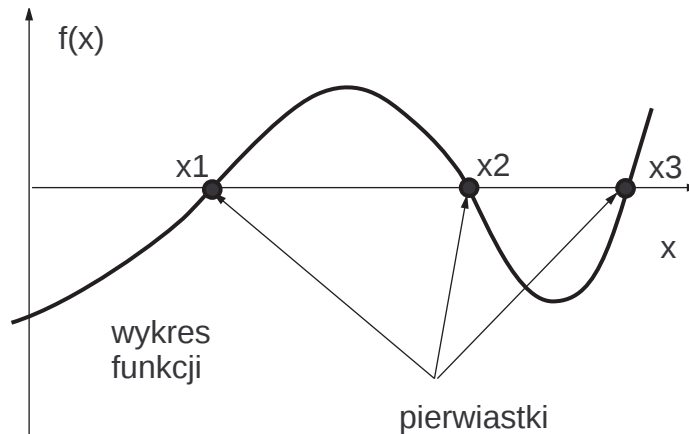


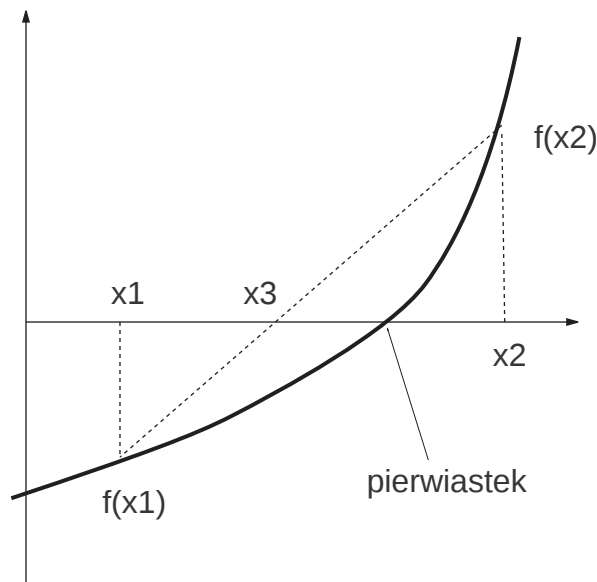
1. Przykład: REGULA FALSI

Literatura: Schneider, Weingart, Perlman, Programming ..., Wiley, 1982.

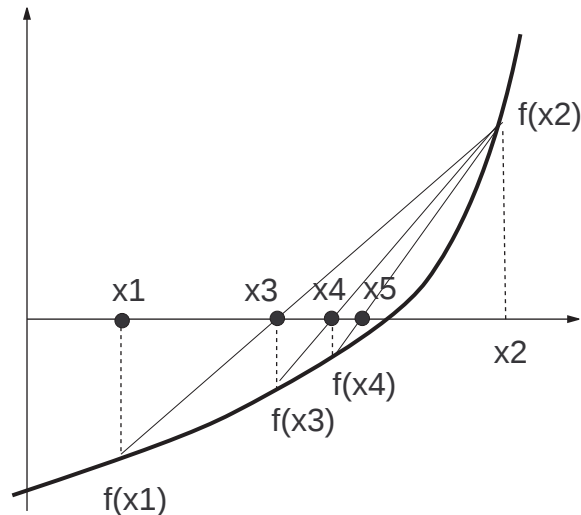
Zajmiemy się teraz problemem znajdowania miejsc zerowych jakiejś funkcji $f(x)$. Jest to bardzo stary i ważny problem matematyczny. Miejsce zerowe funkcji $f(x)$ albo pierwiastek równania $f(x) = 0$, to taki punkt x^* w którym $f(x^*)$ jest zerem. Przykładem funkcji $f(x)$ może być chociażby $\sin^3(x) - x^2$.



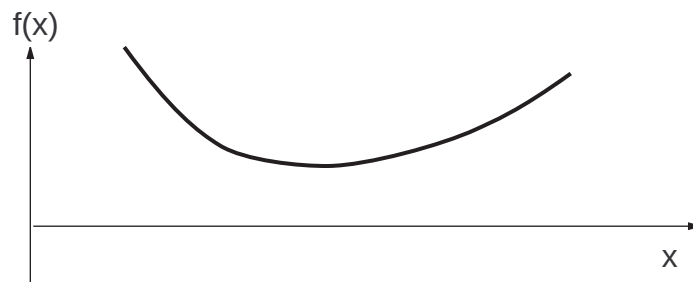
W celu znalezienia pierwiastków będziemy korzystać z metody zwanej *regula falsi* (złego położenia). Nie jest to najlepszy algorytm i na pewno można znaleźć wiele lepszych od niego, ale dla naszego celu, którym jest nauka procesu budowy programu ta metoda jest w sam raz. Poszukiwanie pierwiastka zaczyna się od tego, że mamy najpierw dwa punkty, które obramowują pierwiastek, tzn. mamy takie wartości x_1 i x_2 , że $f(x_1)$ i $f(x_2)$ mają przeciwne znaki. Założmy że wygląda to tak jak na rysunku.



Przez punkty $(x_1, f(x_1))$ i $(x_2, f(x_2))$ prowadzimy linię prostą. Jej przecięcie z osią x ($y = 0$) wyznacza punkt $(x_3, 0)$ którego współrzędna x -owa równa x_3 leży bliżej pierwiastka niż x_1 i x_2 . Odrzucamy punkt x_1 zastępując go przez x_3 i powtarzamy proces sekcji prostą uzyskując nowy punkt $(x_4, f(x_4))$. W ten sposób dostaniemy ciąg punktów $x_3, x_4, x_5, \dots$, które zblizają się do pierwiastka równania, a więc do punktu $(x^*, 0)$. Ten sposób rozwiązywania problemów nosi nazwę iteracji.



Proces poszukiwania pierwiastka powinniśmy kiedyś zakończyć. Można to zrobić np. wtedy gdy $|f(x)| < \epsilon$ gdzie ϵ jest bardzo małą liczbą dodatnią. Nie może to jednak być liczba dowolnie mała gdyż nie możemy przekroczyć tutaj możliwości komputera. Z jednej strony nie pozwala na to dyskretna arytmetyka, a z drugiej czas obliczeń. Nie może być on zbyt długi.



Może się też zdarzyć, że funkcja, którą dostaliśmy nie posiada miejsc zerowych. Jak to stwierdzić? Co z tym dalej zrobić? Jest jeszcze kilka niejasności, np. jakie ϵ wziąć dla wyznaczenia zbieżności, itd.

Zrobimy, pomimo tych trudności, szkic algorytmu.

Sformułujmy jeszcze raz lecz teraz już precyzyjniej stojące przed nami zadanie.

Program wczyta też dokładność ϵ z jaką ma być wyznaczony pierwiastek x^* taki, że $|f(x^*)| < \epsilon$, gdzie $\epsilon > 0$. W przypadku znalezienia pierwiastka program ma wypisać informację:

Pierwiastek = xxxxx.xxxx z dokładnością 0.xxxx

A teraz opiszemy słownie co ma zrobić nasz program. Jest to szkic algorytmu.

START

przeczytaj x_1 , x_2 takie, że leżą one po obu bokach pierwiastka

przeczytaj dokładność epsilon

ustaw wskaźnik znaleziony-pierwiastek na 'nie'

dopóki nie znaleziony-pierwiastek, dopóty wykonuj

 wyznacz x_3 metodą sekcji

 jeśli x_1 i x

3 są po jednej stronie pierwiastka to

 wstaw do x_1 wartość x_3

 w innym wypadku

 wstaw do x_2 wartość x_3

 sprawdź dokładność

 jeśli dokładność $< \epsilon$ to

 wstaw do znaleziony-pierwiastek 'tak'

```
koniec pętli "podczas gdy"
wypisz odpowiedź
STOP
```

Ogólne sformułowanie, które tu zaprezentowaliśmy jest dość proste. Nie jest jednak precyzyjne. Spróbujmy się zastanowić nad tym co należy udokładować.

1. Skąd dostaniemy wartości początkowe x_1, x_2 leżące po bokach pierwiastka? Najprostsza metoda ich otrzymania: od użytkownika programu (nie zawsze dobra). Program sprawdzi tylko czy są one dobre, tzn. czy leżą po przeciwnych stronach; sprawdzanie polega na zbadaniu znaków funkcji f w tych punktach (najlepiej jest zbadać znak iloczynu!). Oto poprawka

```
wstaw 'nie' do dobre-dane
dopóki nie (dobre-dane) wykonuj
    jeśli  $x_1$  i  $x_2$  leżą po obu bokach pierwiastka to
        wstaw 'tak' do dobre-dane
    w przeciwnym wypadku
        wypisz 'podana wartość  $x_1$  i  $x_2$  są złe'
        wypisz 'próbuj jeszcze raz'
koniec pętli "d-d"
```

Chcemy też by program dało się zatrzymać gdy użytkownik nie ma już pomysłów na następną parę danych liczbowych między którymi znajduje się domniemany pierwiastek. Niech więc np. podanie dwu zerowych wartości: 0, 0 zatrzyma program.

```
wstaw 'nie' do dobre-dane
wstaw 'nie' do rezygnuje
dopóki nie(dobre-dane), dopóty wykonuj
    wczytaj  $x_1, x_2$ 
    jeśli  $x_1$  i  $x_2$  są zerami to
        wstaw 'tak' do rezygnuje
    w przeciwnym razie
        jeśli  $x_1, x_2$  leżą po przeciwnych stronach pierwiastka to
            wstaw 'tak' do dobre-dane
        w przeciwnym wypadku
            wypisz 'podana wartość  $x_1$  i  $x_2$  są złe'
            wypisz 'próbuj jeszcze raz'
koniec pętli "d-d"
```

d-d oznacza tutaj w skrócie "dopóki-dopóty".

Wartość x_3 znajdujemy ze wzoru

$$x_3 = \frac{x_2 f(x_1) - x_1 f(x_2)}{f(x_1) - f(x_2)}$$

Zauważmy, że w przypadku gdy $f(x_1) = f(x_2)$ to mamy tu dzielenie przez zero! Na szczęście sprawdziliśmy znaki $f(x_1)$ i $f(x_2)$ i wiemy już w tym miejscu algorytmu, że są one różne, a więc $f(x_1)$ i $f(x_2)$ są różne i dzielenie przez zero nie ma tu miejsca. Te linie gdzie wyznacza się x_3 można teraz zastąpić sekwencją kroków

```
wylicz  $f(x_1)$ 
wylicz  $f(x_2)$ 
wstaw  $(x_2 * f(x_1) - x_1 * f(x_2)) / (f(x_1) - f(x_2))$  do  $x_3$ 
```

Dalej zauważmy, że proces sprawdzania czy punkty x_1 i x_3 lub x_2 i x_3 leżą po tej samej stronie pierwiastka polega na sprawdzeniu znaków i odrzuceniu punktu, który ma taki sam znak jak x_3 . Zapiszemy więc:

```

jeśli (f(x1)<0 i f(x3)<0) lub
      (f(x1)>0 i f(x3)>0) to
      wstaw x3 do x1
w przeciwnym razie
      wstaw x3 za x2

```

Musimy jeszcze zabezpieczyć się przed sytuacją gdy zadana dokładność okaże się za mała, tzn. ϵ będzie tak małe, że program będzie pracować bez skutku, tzn. nie osiągnie tej dokładności, będzie ciągle powtarzał pętlę "dopóki-dopóty". Policzymy w tym celu liczbę przebiegów pętli i zatrzymamy ją gdy liczba ta przekroczy zadaną z góry wartość, którą nazwiemy ;licznik.

```

wstaw 0 do licznik
dopóki nie (znaleziony-pierwiastek) i (licznik < MaksIter),
  dopóty wykonuj
  ...
  ...
  zwiększ licznik o 1
koniec pętli "d-d"

```

Zbierzemy teraz wszystkie kawałki algorytmu. Tak, mniej więcej, wygląda cały poprawiony algorytm poszukiwania pierwiastków. Wciąż nie jest on doskonały. Ciągłe brakuje mu wielu różnych funkcji (możliwości), ale jak różny jest on od algorytmu wyjściowego! Poprawiliśmy go i ulepszyli w porównaniu z początkowym.

```

wstaw 'nie' do dobre-dane
wstaw 'nie' do rezygnuje
dopóki nie(dobre-dane), dopóty wykonuj
  wczytaj x1, x2
  jeśli x1 i x2 są zerami to
    wstaw 'tak' do rezygnuje
  w przeciwnym razie
    jeśli x1, x2 leżą po przeciwnych stronach pierwiastka to
      wstaw 'tak' do dobre-dane
  w przeciwnym wypadku
    wypisz 'podana wartość x1 i x2 są złe'
    wypisz 'próbuj jeszcze raz'
koniec pętli "d-d"

```

```

wstaw 0 do licznik
dopóki nie (znaleziony-pierwiastek) i (licznik < MaksIter),
  dopóty wykonuj
    wylicz f(x1)
    wylicz f(x2)
    wstaw (x2 * f(x1) - x1 * f(x2)) / (f(x1) - f(x2)) do x3
    wyznacz x3 metodą sekcji
    jeśli (f(x1)<0 i f(x3)<0) lub (f(x1)>0 i f(x3)>0) to
      wstaw x3 do x1
    w przeciwnym razie
      wstaw x3 do x2
    sprawdź dokładność:
    jeśli dokładność < epsilon to
      wstaw do znaleziony-pierwiastek 'tak'
    zwiększ licznik o 1
koniec pętli "d-d"

```

```

wypisz 'Znaleziono pierwiastek x=', wypisz x3

```

STOP

Uwagi.

Dla skrócenia zapisu można było używać np. konstrukcji $a \leftarrow b$ lub $b := a$ zamiast opisu "wstaw a do b". Podobnie, można używać skrótów P (prawda) lub T (true) zamiast 'tak' oraz F (fałsz lub false). Słowa true i false są słowami zarezerwowanymi w języku Pascal (w FORTRAN są to .true. i .false.).

A teraz kolej na sam program napisany w Pascalu. Tak naprawdę wystarczy przepisać powyższy algorytm prawie dosłownie w języku Pascal (lub Turbo Pascal).

```

program regula_falsi;

(*
  Program ma za zadanie znalezc pierwiastki rownania
   $f(x)=0$  zadanego przez uzytkownika przy zadanej dokladnosci
  obliczen epsilon
*)

function f(x: real): real;
begin
  f:=x*x-10.0
end;

const
  MaksIter = 100;
var
  licznik: integer;      (* licznik iteracji *)
  epsilon: real;         (* wzgledna dokladnosc *)
  rezygnuje: boolean;    (* wskazuje czy opuszczamy dany przedzial
*)
  dobre_dane : boolean;  (* wskazuje czy dane x1 i x2 sa OK *)
  znaleziony: boolean;   (* wskazuje czy pierwiastek zostal
znaleziony *)
  x1, x2 : real;         (* przedzial zawierajacy pierwiastek *)
  x3 : real;             (* nowy punkt znalezione metoda regula
falsi *)

begin
  (* lokalizujemy przedzial w ktorym jest pierwiastek *)
  dobre_dane:=false;
  rezygnuje:=false;
  while not dobre_dane and not rezygnuje do
  begin
    writeln('Podaj dwa punkty startowe');
    read(x1, x2);
    if (x1=0.0) and (x2=0.0) then
      rezygnuje:=true
    else
      if ((f(x1)<=0.0) and (f(x2)>=0.0)) or
        ((f(x1)>=0.0) and (f(x2)<=0.0)) then
        dobre_dane:=true
      else
        begin
          writeln('Podane liczby nie leza po przeciwnych');
          writeln('stronach pierwiastka. Podaj inne. ');
          writeln('Podaj 0, 0 jesli chcesz zatrzymac program')
        end
      end
    end; { petli while }

    if rezygnuje then
      write('Nie znaleziono startowego przedzialu. Stop.')
    else
      begin { rozwiazanie zadania }
        writeln('Podaj dokladnosc rozwiazania');

```

```

read(epsilon);
znaleziony:=false;
licznik:=0;
while not znaleziony and (licznik <= MaksIter) do
begin
  x3:=(x2*f(x1)-x1*f(x2))/(f(x1)-f(x2));
  if f(x3)=0.0 then (* znaleziono dokładny pierwiastek *)
    znaleziony:=true;
  if ((f(x1)<=0.0) and (f(x3)<=0)) or
    ((f(x1)>=0.0) and (f(x3)>=0.0)) then
    x1:=x3
  else
    x2:=x3;
  licznik:=licznik+1;
  if (abs(f(x3))<=epsilon) then
    znaleziony:=true;
end; (* petli while *)

if znaleziony then
  writeln('pierwiastek = ',x3, ' z dokładnością ',epsilon)
else
begin
  writeln('Po wykonaniu maksymalnej liczby iteracji ', MaksIter);
  writeln('pierwiastka nie udało się znaleźć')
end
end
end.

```

A oto przykładowe wyniki programu uzupełnionego o dodatkową instrukcję `writeln(...):`

```

writeln(x1:6:3,' ',x2:6:3,' ',x3:6:3,' ',licznik+1:2,
        ' ',abs(f(x3)):8:4,' ',epsilon:10:7);

```

która pozwoliła na prześledzenie wyników obliczeń w każdym kroku.

Podaj dwa punkty startowe

1 15

Podaj dokładność rozwiązania

.1

WYNIKI:

x1	x2	x3	licz	f(x3)	epsilon
1.000	15.000	1.563	1	7.5586	0.1000000
1.563	15.000	2.019	2	5.9242	0.1000000
2.019	15.000	2.367	3	4.3975	0.1000000
2.367	15.000	2.620	4	3.1347	0.1000000
2.620	15.000	2.798	5	2.1708	0.1000000
2.798	15.000	2.920	6	1.4734	0.1000000
2.920	15.000	3.002	7	0.9864	0.1000000
3.002	15.000	3.057	8	0.6544	0.1000000
3.057	15.000	3.093	9	0.4315	0.1000000
3.093	15.000	3.117	10	0.2834	0.1000000
3.117	15.000	3.133	11	0.1856	0.1000000

```

3.133 15.000  3.143 12    0.1214  0.1000000
3.143 15.000  3.150 13    0.0793  0.1000000

```

pierwiastek = 3.1497168133E+00 z dokładnością 1.0000000000E-01

Program zatrzymał się po wykonaniu 13 iteracji zanim osiągnięta została zadana dokładność 0.1.



Zadanie 1. Metoda bisekcji

2

Napisać algorytm znajdowania pierwiastka funkcji $f(x)$ zwany metodą bisekcji. Polega on na kolejnym podziale na dwie jednakowe części przedziału (x_1, x_2) , w którym znajduje się pierwiastek i kolejno na przyjęciu, że punkt podziału przybliża pierwiastek równania $f(x) = 0$. Założyć, że dokładność obliczeń $\epsilon = 1e - 6$. Narysować schemat N-S algorytmu.

[Spis]



Zadanie 2. Algorytm Newtona

2

Napisać algorytm rozwiązywania równania $f(x) = 0$ zwany algorytmem Newtona. Algorytm opiera się na rozwinięciu funkcji $f(x)$ w szereg Taylora $f(x^*) = f(x) + f'(x)(x^* - x) + O((x - x^*)^2)$, gdzie x^* jest domniemanym pierwiastkiem. Na tej podstawie można otrzymać iteracyjny algorytm rozwiązania zadania. Narysować schemat NS algorytmu.

[Spis]



Zadanie 3. Pierwiastki w przedziale

3

Zmodyfikować wybrany algorytm rozwiązywania równania $f(x) = 0$ tak, by mógł on sam znaleźć wszystkie możliwe rozwiązania w zadanym z góry przedziale lub by wypisał brak rozwiązań jeśli rozwiązania nie istnieją.

[Spis]